

ESTUDO DA VARIABILIDADE GENÉTICA DAS POPULAÇÕES DE MILHO CAPIXABAS POR MEIO DE MARCADORES MOLECULARES

Larícia Olária Emerick Silva¹
Fernanda Vargas Valadares²
Rafael Nunes de Almeida³
José Dias de Souza Neto⁴
Ana Paula Cândido Gabriel Berilli⁵
Monique Moreira Moulin⁶

Resumo: O objetivo do trabalho foi avaliar a variabilidade genética, via ISSR (Inter sequência simples repetida), de 13 populações de polinização aberta de milho do banco de germoplasma do Ifes, Campus de Alegre. Para análise molecular via ISSR foram adotados os procedimentos de acordo com as metodologias já estabelecidas para milho com algumas modificações, sendo testados três protocolos de extração. Foi selecionado apenas um dos protocolos de extração por apresentar maior nitidez das bandas de DNA. Procedeu-se a triagem dos iniciadores, sendo que os iniciadores UBC 890, (AC)8YA, (GA)8CTT, UBC 812, UBC 835 foram os que apresentaram os melhores perfis eletroforéticos e maior polimorfismo, sendo possível constatar uma variabilidade genotípica considerável para os acessos de milho coletados no estado do Espírito Santo.

Palavras-chave: Análise molecular; Milho; Polimorfismo.

¹ Graduanda em Licenciatura em Ciências Biológicas do Instituto Federal do Espírito Santo *Campus* de Alegre, Brasil. Email: lariciaemericklara@hotmail.com.

² Graduanda em Bacharelado em Ciências Biológicas do Instituto Federal do Espírito Santo *Campus* de Alegre, Brasil. Email: fernanda_valladares@hotmail.com.

³ Mestrando em Agroecologia do Instituto Federal do Espírito Santo *Campus* de Alegre, Brasil. Email: rafaelcabral1500@gmail.com.

⁴ Técnico MSc. do Laboratório de Genética e Biologia Molecular do Instituto Federal do Espírito Santo *Campus* de Alegre, Brasil. Email: jdiassneto@gmail.com.

⁵ Professora PhD do Instituto Federal do Espírito Santo *Campus* Itapina em Colatina, Brasil. Email: anapaula.apgo@gmail.com.

⁶ ⁵Professora Doutora do Instituto Federal do Espírito Santo *Campus* de Alegre, Brasil. Email: moniquemoulin@gmail.com.