

ANÁLISE DO PODER PREDITIVO DOS GENES *ARD1A* E *NGX6* EM PACIENTES COM CÂNCER DE MAMA

Eliane Aline Ribeiro¹

Raissa Monteiro da Silva²

Abaetê Leite Canto³

Luis Henrique Ferreira de Moraes⁴

Renata de Azevedo Canevari⁵

Resumo: *A identificação de marcadores moleculares poderá ser uma ferramenta adicional na seleção mais específica das pacientes onde a remoção dos linfonodos axilares é mais indicada. O objetivo é avaliar se os genes *ARD1A* e *NGX6* são marcadores preditivos do envolvimento dos linfonodos axilares no câncer de mama. Foi realizada a análise de expressão gênica pela técnica de RT-qPCR em 51 amostras de tumor primário, sendo 28 tumores primários linfonodo negativo, 23 tumores primários linfonodo positivo e 11 metástases axilares correspondentes. A expressão diferencial para os genes analisados não foi observada quando realizadas as comparações entre os grupos de tumores primários linfonodo positivo, linfonodo negativo e linfonodos correspondentes. Estes resultados sugerem que os genes *ARD1A* e *NGX6* não tem poder preditivo no envolvimento de linfonodos em tumores mamários humanos.*

Palavras-chave: Expressão gênica; Câncer de mama; Linfonodos.

¹Graduanda em Biomedicina – Universidade do Vale do Paraíba – UNIVAP, Brasil. E-mail: elianeribeiro319@gmail.com.

²Graduanda em Biomedicina – Universidade do Vale do Paraíba – UNIVAP, Brasil. E-mail: raissa_monteiro_silva@uahoo.com.br.

³Médico Patologista – Centro de Medicina Diagnóstica / São José dos Campos, Brasil. E-mail: abaete@cipax.com.br.

⁴ Médico Mastologista – Hospital São Francisco de Assis, Departamento de Mastologia / Jacareí, Brasil. E-mail: drluismoraes@hotmail.com.

⁵ Professora, Doutora e Pesquisadora na Universidade do Vale do Paraíba – UNIVAP, Brasil. E-mail: rcanevari@univap.br.